⑥ 自然教育園の落葉より分離された 放線菌について

村 松 秀 行*

Actinomycetes from leaf litter collected in the Institute for Nature Study

Hideyuki Muramatsu*

はじめに

放線菌は細菌界に属する微生物である。2015 年にノーベル医学生理学賞を受賞された大村智博士の受賞対象は抗寄生虫薬イベルメクチンであるが、その原体であるアベルメクチンは放線菌の一種である Streptomyces avermectinius の生産する化合物である (Burg et al., 1979)。このように放線菌は医薬品などの有用化合物の生産生物として、ペニシリン(Fleming, 1929)、セファロスポリン(Newton & Abraham, 1955)、メバスタチン(ML-236B、メバロチン原体)(Endo et al., 1976)などを生産するカビと並んで非常に有用である。放線菌からはストレプトマイシン(Schatz et al., 1944)、カナマイシン(Umezawa et al., 1957)、ブレオマイシン(Umezawa et al., 1966)、タクロリムス(FK506)(Kino et al., 1987)、カスガマイシン(Umezawa et al., 1965)などが発見され、感染症、ガン、高脂血症、免疫関連などの医薬品や農薬、動物薬として、現在に至るまで人類の健康増進と福祉の向上に大きく貢献している。

しかし、現在では微生物産物からの医薬品探索は多くの製薬企業が撤退するなど、下火になっているのが現状である。その理由は化学合成法の飛躍的な進歩や抗体創薬の興隆などに加えて、分離しやすい微生物を用いた探索では新規有用化合物の発見が困難となっていることである。化学合成法が進歩したとはいえ微生物の生産する化合物をはじめとする天然物化合物は、人知を超えた有用化合物の源としていまだにその価値を失っていないと考える研究者も多く(Li & Vederas, 2009)、海洋の微生物(Fenical & Jensen, 2006)や難培養微生物(Milshteyn et al., 2014)など、これまであまり扱われてこなかった微生物にアクセスする試みも続けられている。放線菌は主に土壌から分離されるが、筆者らは土壌と同様に身近な環境でありながらあまり活用されてこなかった落葉に着目し、その分離株の多様性や新規性を調査すると同時に実際に医薬品候補化合物の探索に活用している。

放線菌を含めた細菌は動植物では当然のように行われる分布に関する研究が極めて少ない。このこ

^{*}公益財団法人 微生物化学研究会 微生物化学研究所 第2生物活性研究部, Laboratory of Microbiology, Institute of Microbial Chemistry, Tokyo.

とは細菌の分類体系の未熟さや同定の困難さもその要因となっていたと考えられる。幸い,分子系統の概念及びその解析技術の進歩により,細菌の分類学は近年になって急速に進んでおり,また,未記載種であっても系統情報による解析が可能となっている。系統情報,すなわち遺伝子の塩基配列情報による解析の具体的な例は,配列の相同性検索による分類群の推定や一定の相同値によるグルーピング(OTU; Operational Taxonomic Unit)を便宜的な種として扱う解析が挙げられる。これらの技術は微生物の分布や生態に関する研究や新規分類群の発見に大いに役立つと考えられる。

今回,筆者らは大都市内に遺存された自然林的環境である自然教育園の落葉に生息する放線菌について,その系統的多様性及び新規性について調査を行ったので報告する。

調査方法

2018年6月27日及び7月26日,10月11日に自然教育園にて落葉の採集を行った。採集した落葉は幅5 mm程度に細断したのち,1週間,実験室内にて風乾した。風乾した落葉は以下の2方法にて懸濁液を作製し,原液及びその生理的食塩水による希釈液を土壌放線菌の分離に用いられるフミン酸ビタミン寒天培地(HV 培地)(Hayakawa & Nonomura, 1987)及び酸性(pH 5.0)に改変したHV培地に塗抹した。

- ① 風乾落葉 0.5 g を滅菌 PP 製試験管に量り取り,滅菌クローム球を重しとして載せたのち滅菌 0.05% Tween 80 液 20ml を静かに注いで風乾落葉を十分浸漬させた。1時間室温で放置したのち,上清をサンプリングして懸濁液とした。あえて撹拌を行わないことにより,自ら遊走して上清中に現れる運動性放線菌が選択的に分離される。
- ② 上記と同様に風乾落葉を Tween80 液に浸漬したのち重りを除去し、ボルテックスミキサーで激しく撹拌して懸濁液を作製した。作製した懸濁液は 2ml 容のサンプリングチューブを用いて、percoll または ficoll を用いた非連続密度勾配遠心(比重 $1.10 \sim 1.20, 20,000 \times G, 10$ 分または 15 分)により、比重ごとに分画した。

懸濁液を塗抹した寒天培地は30℃で1~3週間培養し、出現したコロニーをイーストエキス・スターチ寒天培地に移植した。移植したコロニーは30℃で1~2週間培養し、コロニーPCRに供した。コロニーPCRはKODFX Neo(東洋紡)、PCRプライマーとして16S001F(5-GGAGAGTTTGATCCTGGCTCAG-3')と16S003R(5'-ACGGCTACCTTGTTACGACTTC-3')を使用し、16S rRNA遺伝子のほぼ全長(約1.5 kb)を増幅した。PCRサイクルは95℃、10分のプレヒートに引き続き、98℃、30秒の熱変性、63℃、30秒のアニーリング、68℃、1分の伸長反応のサイクルを40サイクル実施後、4℃で保管した。PCR反応液は希釈し、塩基配列分析に供した。塩基配列分析は821R(5'-CATCGTTTACGGCGTGGACTAC-3')をシーケンスプライマーとし、サンガー法にて行った(株式会社ファスマックに委託)。得られた配列はエレクトロフェノグラムを目視にて確認したのち、16S rRNA遺伝子の前半部分約700塩基を決定した。塩基配列の相同性検索はBlast検索にて行った。OTU解析の閾値は99%を採用した。OTU解析は閾値97%で実施されることも多いが、今回はStackebrandtらの報告(2006)を根拠により実際の種間の値に近いものとして99%を採用した。一部の分類群については、Clustal X version 2.1(Larkin, 2009)を用いて系統樹を作成した。

結 果

落葉 20 サンプルより、720 株の放線菌を含む細菌を分離した。分離株のうち、678 株について 16S rRNA 部分塩基配列を取得することができた。取得した配列長は 550 ~ 798 塩基で 665 株 (98.1%) が 680 塩基以上であった。678 株のうち 532 株 (78.4%) が放線菌で、放線菌以外の細菌ではアルファプロテオバクテリアが 126 株 (18.6%) で放線菌に次いで多かった。OTU 数は 207 で OTU 当たりの平均分離株数は 3.27 株 /OTU となり、多様な OTU が取得できていることが分かった。放線菌のOTU は 138 (66.6%) と最も多く、次いでアルファプロテオバクテリアが 52 (25.1%) であった (表 1)。放線菌は 16 科 42 属 138OTU (種相当) であった (表 2)。放線菌の中では Streptomyces 属が分離株数、OTU 数ともに最も多く、分離株が 313 株、OTU が 31 であった。また、運動性放線菌の OTU として、Kineosporia 属、Actinoplanes 属、Cryptosporangium 属などに属する 34 が検出された。また、既知種に対して相同値が 99%未満の新種相当と考えられる OTU は 68 と OTU 全体の約半数であった。これらについては系統樹上でも新種相当であることが確認された(図 1、2、3)。

表1 綱ごとの OTU および分離株数

Phylum (門)	Class (綱)	OTU数	分離株数
"Actinobacteria"	Actinobacteria (放線菌)	138	532
	Chitinophagia	1	1
"Bacteroidetes"	Cytophagia	2	2
	Sphingobacteriia	1	1
"Firmicutes"	Bacilli or Firmibacteria	1	1
	Alphaproteobacteria	52	126
"Proteobacteria"	Betaproteobacteria	9	11
	Gammaproteobacteria	3	4
系統データ	取得成功株 小計	207	678
	ータ取得失敗株	-	42
分割	雑株 合計		720

表 2 属ごとの放線菌 OTU および分離株数

最近縁種との相同値が99%未満のものを新種候補OTUとした. 属名に*を付したものは運動性放線菌.

Order (目)	Suborder (亜目)	Family (科)	Genus (属)	OTU数	分離株数	新種候補OTU数
		Mycobacteriaceae	Mycobacterium	3	5	3
			Gordonia	3	16	3
	Corynebacterineae	Nocardiaceae	Nocardia	3	5	1
		Nocardiaceae	Rhodococcus	1	1	0
			Williamsia	1	2	0
			Actinoplanes*	7	11	6
	Micromonosporineae	Micromonosporaceae	Asanoa	1	1	1
	wicromonosponieae	Wicromonosporaceae	Catenuloplanes*	2	2	1
			Polymorphospora	1	1	1
Actinomycetales		N	Kribbella	2	3	1
	Propionibacterineae	Nocardioidaceae	Nocardioides	6	9	4
		Propionibacteriaceae	Friedmanniella	1	1	1
			Actinokineospora*	1	1	0
		2 / "	Actinomycetospora	1	2	1
	Pseudonocardineae	Pseudonocardiaceae	Amycolatopsis	9	12	7
			Pseudonocardia	2	2	2
		Kitasatospor	Kitasatospora	3	9	1
	Streptomycineae	Streptomycetaceae	Streptomyces	31	313	5
	Streptosporangineae	Thermomonosporaceae	Actinomadura	1	2	0
		Cryptosporangiaceae	Cryptosporangium*	6	20	3
Frankiales		(所原未定)	Motilibacter*	1	1	1
			Kineosporia*	11	38	4
Kineosporiales		Kineosporiaceae	Thalassiella	1	1	1
			Cellulomonas*	5	8	4
		Cellulomonadaceae	Oerskovia*	1	1	1
		Intrasporangiaceae	Phycicoccus	1	1	1
			Agromyces	3	4	1
			Curtobacterium	2	14	1
			Herbiconiux	1	2	1
			Leifsonia	1	2	0
			Lysinimonas	1	1	1
		Microbacteriaceae	Microbacterium	14	19	8
Micrococcales			Mycetocola	1	1	1
			Plantibacter	1	1	1
			Rathayibacter	1	2	0
			Schumannella	1	1	0
			Micrococcus	1	1	0
		Micrococcaceae	Rothia	1	1	0
			Cellulosimicrobium	1	1	0
		Promicromonosporaceae	Isoptericola	1	3	0
			Luteimicrobium	2	10	0
Nakamurellales		Nakamurellaceae	Nakamurella	1	10	1
ivanaillulellales		合計	ivakaiiiureiia	138	532	68

表3 OTUリスト

OTURE Conus (E)	(E)	最近縁種*		#4- # <i>h</i> -	落葉採集日ごとの株数			
OTU番号	Genus (属)		相同値(%)	株数	6月27日	8月10日	10月19日	
OTU-0001		M. grossiae PB739 ^T (KM186137)	97.7	2	0	0	2	
OTU-0002	Mycobacterium	<i>M. chelonae</i> subsp. <i>bovis</i> QIA-37 ^T (KY593892)	97.8 - 98.1	2	0	0	2	
OTU-0003		<i>M. aquaticum</i> RW6 ^T (KY392537)	97.7	1	0	0	1	
OTU-0004		G. westfalica Kb1/Kb2 ^T (AJ312907)	98.4	10	0	1	9	
OTU-0005	Gordonia	G. soli CC-AB0T7 ^T (AY995560)	97.3	1	0	0	1	
OTU-0006		G. paraffinivorans HD321 [™] (AF432348)	98.4	5	0	0	5	
OTU-0007		N. speluncae N2-11 ^T (AM422449)	99.0	2	0	0	2	
OTU-0008	Nocardia	N. lijiangensis YIM 33378 ^T (AY779043)	98.9	2	0	0	2	
OTU-0009		N. ignorata DSM 44496 ^T (AJ303008)	99.0	1	0	0	1	
OTU-0010	Rhodococcus	R. kunmingensis YIM 45607 ^T (DQ997045)	99.9	1	0	0	1	
OTU-0011	Williamsia	W. muralis MA140-96 ^T (Y17384)	100	2	0	0	2	
OTU-0012		A. nipponensis NBRC 14063 ^T (01406301)	97.8 - 98.0	2	1	0	1	
OTU-0013		A. friuliensis HAG 010964 ^T (FR733685)	97.7 - 98.0	2	0	1	1	
OTU-0014		A. octamycinicus IFO 14524 ^T (AB047494)	98.3	1	0	0	1	
OTU-0015	Actinoplanes	<i>A. lichenis</i> LDG1-22 [™] (LC033899)	98.4	1	0	0	1	
OTU-0016		A. lichenis LDG1-22 ^T (LC033899)	97.7	1	0	0	1	
OTU-0017		A. rectilineatus IFO 13941 ^T (AB037010)	99.9 - 100	3	0	0	3	
OTU-0018		<i>A. bogorensis</i> LIPI11-2-Ac043 ^T (LC027115)	98.5	1	0	0	1	
OTU-0019	Asanoa	A. siamensis NBRC 107932 ^T (12775701)	98.5	1	0	0	1	
OTU-0020		C. nepalensis NBRC 15583 ^T (01558301)	99.2	1	0	0	1	
OTU-0021	Catenuloplanes	C. niger NBRC 14177 ^T (01417701)	98.4	1	0	0	1	
OTU-0022	Polymorphospora	<i>P. rubra</i> TT 97-42 ^T (AB223089)	97.9	1	0	0	1	
OTU-0071	, crymerpheopera	<i>K. antibiotica</i> YIM 31530 [™] (AY082063)	98.5	1	0	0	1	
OTU-0072	Kribbella	<i>K. jejuensis</i> HD9 ^T (AY253866)	98.8 - 99.6	2	0	0	2	
OTU-0073		<i>N. kribbensis</i> KSL-2 [™] (AY835924)	97.6	1	0	1	0	
OTU-0074		N. hwasunensis HFW-21 ^T (AM295258)	100	1	0	0	1	
OTU-0075		N. ginkgobilobae SYP-A7303 ^T (KP128917)	96.2 - 96.5	2	0	0	2	
OTU-0076	Nocardioides	<i>N. lianchengensis</i> D94-1 ^T (H0657322)	98.4	1	0	0	1	
OTU-0077		<i>N. hankookensis</i> DS-30 ^T (EF555584)	99.2 - 99.9	3	0	0	3	
OTU-0078		<i>N. tritolerans</i> MSL-14 ^T (EF466107)	95.3	1	0	0	1	
OTU-0079	Friedmanniella	<i>F. flava</i> W6 ^T (HQ839787)	95.8	1	0	0	1	
OTU-0023	Actinokineospora	A. terrae IFO 15668 ^T (AB058394)	99.5	1	0	0	1	
OTU-0024	Actinomycetospora	A. chlora TT07I-57 ^T (AB514519)	98.3 - 98.4	2	0	0	2	
OTU-0025		<i>A. pretoriensis</i> NRRL B-24133 ^T (AY183356)	98.5 - 98.9	2	0	0	2	
OTU-0026		A. mediterranei IMSNU 20056 ^T (AJ293754)	98.5	1	0	0	1	
OTU-0027		A. halotolerans $N4-6^{T}$ (DQ000196)	99.7	1	0	0	1	
OTU-0028		A. pretoriensis NRRL B-24133 ^T (AY183356)	99.0	1	0	0	1	
OTU-0029	Amycolatopsis	A. mediterranei IMSNU 20056 ^T (AJ293754)	97.2	2	0	0	2	
OTU-0030	,	<i>A. rhabdoformis</i> SB026 ^T (KF779477)	98.1 - 98.2	2	0	0	2	
OTU-0031		A. rifamycinica DSM 46095 ^T (AY083603)	98.9	1	0	0	1	
OTU-0032		A. equina SE ^T (HO021204)	97.4	1	0	0	1	
OTU-0033		A. mediterranei IMSNU 20056 ^T (AJ293754)	97.0	1	0	0	1	
OTU-0034		<i>P. xishanensis</i> YIM 63638 ^T (FJ817397)	98.0	1	0	0	1	
OTU-0035	Pseudonocardia	P. babensis NBRC 105793 ^T (12170001)	98.8	1	0	0	1	
OTU-0036	Kitasatospora	<i>K. saccharophila</i> SK15 ^T (AB278568)	99.0 - 99.9	6	0	1	5	
	配列のAccession番号。	M. Saccharophila SKI3 (AB276306) 「 で始まる番号の配列はNBRC. それ以外			-			

^{*)}括弧内は配列のAccession番号。「--」で始まる番号の配列はNBRC, それ以外はDDBJより入手した。

表3 OTU リスト (続き)

0.711.75.0				T4F 364	落葉採集日ごとの株数			
OTU番号	Genus (属)	最近縁種	相同値(%)	株数	6月27日	8月10日	10月19日	
OTU-0037	Kitasatospora	K. cineracea SK-3255 ^T (AB022875)	99.5	1	0	0	1	
OTU-0038	Mitasatuspura	<i>K. paranensis</i> NBRC 101837^{T} (11781201)	98.6	2	0	0	2	
OTU-0039		S. griseoluteus NBRC 13375 T (01337501)	99.2 - 100	39	0	1	38	
OTU-0040		S. kunmingensis NRRL B-16240 [™] (DQ442513)	98.2 - 98.9	2	0	1	1	
OTU-0041		S. siamensis KC-038 ^T (AB773848)	98.4 - 99.3	92	0	3	89	
OTU-0042		S. siamensis KC-038 ^T (AB773848)	99.0	1	0	1	0	
OTU-0043		S. chartreusis NBRC 12753 ^T (01275302)	98.6 - 99.6	28	0	2	26	
OTU-0044		S. exfoliatus NBRC 13191 ^T (AB184324)	99.3 - 99.9	7	0	0	7	
OTU-0045		S. aomiensis M24DS04 ^T (AB522686)	99.6	1	0	0	1	
OTU-0046		S. camponoticapitis 2H-TWYE14 ^T (KP784807)	98.5	1	0	0	1	
OTU-0047		S. drozdowiczii NBRC 101007 ^T (AB249957)	99.3 - 99.5	6	0	0	6	
OTU-0048		S. kunmingensis NRRL B-16240 ^T (DQ442513)	98.9	1	0	0	1	
OTU-0049		S. xylanilyticus SR2-123 T (LC128341)	98.8 - 99.5	3	0	0	3	
OTU-0050		S. olivicoloratus T13 ^T (KM229359)	99.9	2	0	0	2	
OTU-0051		S. ferralitis SFOp68 ^T (AY262826)	98.6 - 98.7	2	0	0	2	
OTU-0052		S. colombiensis NRRL B-1990 ^T (DQ026646)	100	1	0	0	1	
OTIL 0052		S. costaricanus NBRC 100773 ^T (AB249939)	100	1	0	0	1	
OTU-0053 OTU-0054	Streptomyces			1	0	0	1	
	Streptomyces	S. cocklensis BK168 ^T (FR692107) S. prunicolor NBRC 13075 ^T (D0026659)	98.1					
OTU-0055 OTU-0056		S. kaempferi 137 ^T (HE591382)	99.0 - 99.6 99.0	25 3	0	0	25 3	
OTU-0057		S. graminisoli JR-19 ^T (HQ267975)	99.7	1	0	0	1	
OTU-0058		S. rhizosphaerihabitans $JR-35^{T}$ (HQ267983)	99.3 - 99.7	5	0	0	5	
OTU-0059		S. fildesensis $GW25-5^{T}$ (DQ408297)	99.0	1	0	0	1	
OTU-0060		S. microflavus NRRL B-2156 ^T (DQ445795)	99.3 - 99.9	8	0	0	8	
OTU-0061		S. nashvillensis NBRC 13064 ^T (AB184286)	98.8 - 99.7	9	0	0	9	
OTU-0062		S. andamanensis $KC-112^T$ (LC008305)	100	1	0	0	1	
OTU-0063		S. violascens NBRC 12920 ^T (01292001)	99.9	1	0	0	1	
OTU-0064		S. aureus NBRC 100912 T (11717601)	99.2 - 99.9	21	0	0	21	
OTU-0065		S. glomeroaurantiacus NBRC 15418 ^T (AB249983)	99.2	9	0	0	9	
OTU-0066		S. spiroverticillatus NBRC 3931 ^T (AB184814)	99.7	1	0	0	1	
OTU-0067		S. cyslabdanicus K04-0144 ^T (AB915216)	98.5 - 99.3	38	0	0	38	
OTU-0068		S. phaeoluteichromatogenes NRRL B-5799 ^T (AJ391814)	99.3	1	0	0	1	
OTU-0069		S. rubidus NBRC 102073 ^T (11799101)	99.6	1	0	0	1	
OTU-0070	Actinomadura	<i>A. nitritigenes</i> NBRC 15918 ^T (01591801)	99.6	2	0	0	2	
OTU-0080		C. minutisporangium IFO 15962 ^T (AB037007)	98.1	1	1	0	0	
OTU-0081	Cryptosporangium	<i>C. japonicum</i> IFO 15966 ^T (D85466)	98.7 - 98.9	5	1	0	4	
OTU-0082		C. mongoliense NBRC 105887 ^T (12179401)	99.0	1	1	0	0	

表3 OTU リスト (続き)

OTUE- Conus	Conus (E)	nus (属) 最近縁種		## #h	落葉採集日ごとの株数			
OTU番号	Genus (禹)		相同値(%)	株数	6月27日	8月10日	10月19日	
OTU-0083		C. arvum NBRC 15965 ^T (01596501)	98.9 - 99.4	11	3	0	8	
OTU-0084	Cryptosporangium	C. cibodasense LIPI11-2- Ac046 ^T (LC025527)	98.1	1	0	0	1	
OTU-0085		C. japonicum IFO 15966^{T} (D85466)	99.1	1	0	0	1	
OTU-0086	Motilibacter	<i>M. rhizosphaera</i> e RS-16 ^T (FM998018)	95.2	1	0	0	1	
OTU-0087		K. aurantiaca NRRL B-16913 ^T (AF095336)	98.4 - 99.2	10	1	1	8	
OTU-0088		K. mikuniensis NBRC 16234 ^T (AB377117)	98.7 - 99.2	4	2	0	2	
OTU-0089		K. aurantiaca NRRL B-16913 ^T (AF095336)	99.2 - 99.3	5	1	0	4	
OTU-0090		K. mikuniensi's NBRC 16234 ^T (AB377117)	97.6	1	1	0	0	
OTU-0091		K. babensis NBRC 104154 ^T (12006101)	98.6 - 99.3	5	0	0	5	
OTU-0092	Kineosporia	K. mikuniensis NBRC 16234 ^T (AB377117)	98.5	1	0	0	1	
OTU-0093		K. mesophila YIM 65293 ^T (FJ214362)	99.4 - 99.6	3	0	0	3	
OTU-0094		<i>K. rhamnosa</i> $I-132^{T}$ (AB003935)	97.1	2	0	0	2	
OTU-0095		K. aurantiaca NRRL B-16913 ^T (AF095336)	98.6 - 99.0	2	0	0	2	
OTU-0096		<i>K. rhamnosa</i> $I-132^{T}$ (AB003935)	96.1	1	0	0	1	
OTU-0097		K. mikuniensis NBRC 16234 ^T (AB377117)	99.2 - 99.9	4	0	0	4	
OTU-0098	Thalassiella	T. azotivora DSD2 ^T (KT630890)	96.2	1	0	0	1	
OTU-0099		C. denverensis W6929 ^T (AY501362)	97.5	2	0	0	2	
OTU-0100		C. iranensis NBRC 101100^{T} (11728201)	99.4	1	0	0	1	
OTU-0101	Cellulomonas	C. denverensis W6929 ^T (AY501362)	98.4	1	0	0	1	
OTU-0102		C. humilata NCTC 25174 ^T (X82449)	98.9	1	0	0	1	
OTU-0103		C. massiliensis $JC225^{T}$ (JN657218)	98.4	3	0	0	3	
OTU-0104	Oerskovia	<i>O. turbata</i> NCIMB 10587 [™] (X79454)	98.5	1	0	0	1	
OTU-0105	Phycicoccus	P. endophyticus IP6SC6 ^T (KT327645)	98.7	1	0	0	1	
OTU-0106		A. aureus AR33 [™] (KU141338)	99.6	2	0	0	2	
OTU-0107	Agromyces	A. lapidis CD55 ^T (AY618217)	98.7	1	0	0	1	
OTU-0108		A. salentinus $20-5^{T}$ (AY507129)	99.4	1	0	0	1	
OTU-0109		C. flaccumfaciens pv. flaccumfaciens LMG 3645 ^T (AJ312209)	99.3 - 100	13	0	0	13	
OTU-0110	Curtobacterium	C. oceanosedimentum ATCC 31317 ^T (GU269547)	98.4	1	0	0	1	
OTU-0111	Herbiconiux	H. flava NBRC 16403 ^T (AB583921)	98.5 - 98.8	2	0	0	2	
OTU-0112	Leifsonia	L. aquatica NBRC 15710 ^T (01571001)	99.7 - 99.9	2	0	0	2	
OTU-0113	Lysinimonas	L. soli NBRC 107106 ^T (12693101)	98.1	1	1	0	0	
OTU-0114		M. hominis DSM 12509 ^T (AM181504)	98.5	1	1	0	0	
OTU-0115		<i>M. aurum</i> NBRC 15204 [™] (01520401)	98.5 - 98.9	5	1	0	4	
OTU-0116		<i>M. terregens</i> NBRC 12961 ^T (01296101)	99.5	1	1	0	0	
OTU-0117		M. paraoxydans CF36 [™] (AJ491806)	98.9 - 99.7	2	1	0	1	
OTU-0118		<i>M. testaceum</i> NBRC 12675 ^T (01267501)	97.8	1	1	0	0	
OTU-0119		M. kyungheense THG-C26 ^T (JX997973)	99.2	1	0	1	0	
OTU-0120	Microbacterium	<i>M. maritypicum</i> NBRC 15779 ^T (01577901)	98.6	1	0	0	1	
OTU-0121		<i>M. kyungheense</i> THG-C26 ^T (JX997973)	97.7	1	0	0	1	
OTU-0122		<i>M. lacticum</i> NBRC 14135 ^T (01413501)	99.3	1	0	0	1	
OTU-0123		<i>M. testaceum</i> NBRC 12675 ^T (01267501)	99.3	1	0	0	1	
OTU-0124		M. trichothecenolyticum NBRC 15077 ^T (01507701)	98.9	1	0	0	1	

表3 OTU リスト (続き)

OTU番号	Genus (属)	最近縁種		株数	落葉採集日ごとの株数		
OTU田勺			40.184110.4747	仆奴	6月27日	8月10日	10月19
OTU-0125		M. yannicii G72 ^T (FN547412)	97.4	1	0	0	1
OTU-0126	Microbacterium	M. lemovicicum ViU22 [™] (JN243353)	99.7	1	0	0	1
OTU-0127		M. album SYSU D8007 ^T (MF399039)	97.3	1	0	0	1
OTU-0128	Mycetocola	M. reblochoni LMG 22367 [™] (DQ062097)	97.0	1	0	0	1
OTU-0129	Plantibacter	<i>P. flavus</i> P 297/02 ^T (AJ310417)	98.8	1	0	0	1
OTU-0130	Rathayibacter	<i>R. tritici</i> DSM 7486 ^T (X77438)	99.2 - 99.3	2	0	0	2
OTU-0131	Schumannella	S. luteola KHIA ^T (AB362159)	99.9	1	0	0	1
OTU-0132	Micrococcus	M. aloeverae AE-6 ^T (KF524364)	99.7	1	0	0	1
OTU-0133	Rothia	$R.\ dentocariosa\ ATCC\ 17931^T\ (M59055)$	99.6	1	0	0	1
OTU-0134	Cellulosimicrobium	<i>C. funkei</i> W6122 ^T (AY501364)	99.3	1	0	0	2
OTU-0135	Isoptericola	<i>I. nanjingensis</i> H17 [™] (HQ222356)	99.4	3	0	0	3
OTU-0136	Luteimicrobium	L. subarcticum R19-04 ^T (AB489904)	99.1 - 100	9	0	0	9
OTU-0137	Luteimicrobium	$L. xylanilyticum W-15^{T} (JQ039191)$	99.7	1	0	0	1
OTU-0138	Nakamurella	N. intestinalis 63MJ-1 [™] (KU379671)	96.9	1	0	0	1
OTU-0139	Brevundimonas	B. intermedia ATCC 15262 ^T (AJ227786)	99.6 - 100	7	4	0	3
OTU-0140	Dievuliulillollas	B. intermedia ATCC 15262 ^T (AJ227786)	98.7	1	0	0	1
OTU-0141	Reyranella	R. massiliensis 521 ^T (EF394922)	97.9	1	0	0	1
OTU-0142		N. lindaniclasticum LE124 ^T (JN687581)	99.2 - 99.9	22	1	3	18
OTU-0143		N. resinovorum NCIMB 8767 ^T (EF029110)	99.4 - 99.9	5	0	1	4
OTU-0144	Novosphingobium	<i>N. gossypii</i> JM-1396 ^T (KP657488)	99.3 - 99.4	3	0	0	3
OTU-0145		$N. clariflavum CICC11035s^T (KU530129)$	99.6 - 99.7	6	0	0	6
OTU-0146		<i>N. mathurense</i> $SM117^T$ (EF424403)	99.3 - 99.4	4	0	0	4
OTU-0147	Sphingobium	S. $limneticum 301^{T} (JN591313)$	99.7 - 99.9	2	0	0	2
OTU-0148		S. colocasiae CC-MHH0539 ^T (KU248160)	98.5	1	1	0	0
OTU-0149		S. desiccabilis CP1D ^T (AJ871435)	97.3	1	0	1	0
OTU-0150		S. kyeonggiensis THG-DT81 ^T (KC252615)	98.4	1	0	0	1
OTU-0151		S. kyeonggiensis THG-DT81 ^T (KC252615)	98.4	1	0	0	1
OTU-0152		S. abaci $C42^{T}$ (AJ575817)	98.0	1	0	0	1
OTU-0153		S. leidyi ATCC 15260 ^T (AJ227812)	96.6	1	0	0	1
OTU-0154		S. naphthae DKC-5-1 ^T (KU312690)	97.4 - 98.3	5	0	0	5
OTU-0155		<i>S. gei</i> ZFGT-11 ^T (KF551181)	97.0 - 97.1	3	0	0	3
OTU-0156		S. zeicaulis 541 ^T (KP172592)	99.1	1	0	0	1
OTU-0157	0.44	S. yanoikuyae NBRC 15102^{T} (01510201)	97.7	1	0	0	1
OTU-0158	Sphingomonas	S. yanoikuyae NBRC 15102^{T} (01510201)	99.7	1	0	0	1
OTU-0159		S. aerophila $5413J-26^{T}$ (KC735148)	99.9	1	0	0	1
OTU-0160		S. laterariae LNB2 T (HM159118)	97.1	1	0	0	1
OTU-0161		S. polyaromaticivorans B2-7 [™] (EF467848)	97.7 - 97.8	2	0	0	2
OTU-0162		S. starnbergensis 382 ^T (JN591314)	97.7	2	0	0	2
OTU-0163		<i>S. trueperi</i> LMG 2142 ^T (X97776)	98.9 - 99.0	5	0	0	5
OTU-0164		<i>S. mucosissima</i> CP173-2 ^T (AM229669)	99.1	1	0	0	1
OTU-0165		S. zeicaulis 541 ^T (KP172592)	98.6 - 98.7	2	0	0	2
OTU-0166		S. colocasiae CC-MHH0539 ^T (KU248160)	99.1	1	0	0	1
OTU-0167		S. polyaromaticivorans B2-7 ^T (EF467848)	98.6	1	0	0	1
OTU-0168		<i>B. lupini</i> R-45681 ^T (FR774992)	99.4	1	1	0	0
OTU-0169	Bosea	<i>B. robiniae</i> R-46070 [™] (FR774994)	98.8 - 99.4	4	0	1	3
OTU-0170	Bradyrhizobium	B. erythrophlei CCBAU 53325 [™] (KF114645)	100	1	0	0	1

表3 OTU リスト (続き)

OTU番号	Genus (属)	属) 最近縁種		恒(%) 株数	落葉採集日ごとの株数			
010番号			ACTIVITE CON		6月27日	8月10日	10月19日	
OTU-0171	Bradyrhizobium	<i>B. diazoefficiens</i> NBRC 14792 [™] (01479201)	99.4 - 100	3	0	0	3	
OTU-0172	Tardiphaga	<i>T. robiniae</i> R-45977 ^T (FR753034)	99.4	1	0	0	1	
OTU-0173		<i>M. tardum</i> RB677 [™] (AB252208)	99.2 - 99.9	11	2	1	8	
OTU-0174		<i>M. komagatae</i> 002-079 ^T (AB252201)	99.1 - 99.6	2	0	1	1	
OTU-0175		<i>M. pseudosasicola</i> NBRC 105203 ^T (12111001)	99.8	1	0	0	1	
OTU-0176	Methylobacterium	M. platani PMB02T (EF426729)	99.1	1	0	0	1	
OTU-0177		<i>M. aquaticum</i> GR16 ^T (AJ635303)	98.9	1	0	0	1	
OTU-0178		M. brachythecii 99b [™] (AB703239)	99.1	1	0	0	1	
OTU-0179		M. goesingense iEII3 [™] (AY364020)	98.0	1	0	0	1	
OTU-0180	Methylorubrum	M. aminovorans JCM 8240 [™] (AB175629)	99.9	2	1	1	0	
OTU-0181	Methylopila	$M.$ capsulata $IM1^T$ (AF004844)	98.4	1	0	1	0	
OTU-0182	Agrobacterium	<i>A. larrymoorei</i> 3-10 [™] (Z30542)	99.7 - 100	2	0	0	2	
OTU-0183		R. yantingense H66 ^T (KC934840)	99.6 - 99.7	2	0	0	2	
OTU-0184		R. wenxiniae 166 ^T (KR610521)	99.6	1	0	0	1	
OTU-0185		$R. smilacinae PTYR-5^{T} (KF551141)$	98.1	1	0	0	1	
OTU-0186	D	R. alamii GBV016 ^T (AM931436)	97.2	1	0	0	1	
OTU-0187	Rhizobium	R. endolithicum $JC140^{T}$ (HE818072)	98.4	1	0	0	1	
OTU-0188		R. cauense CCBAU 101002 [™] (JF424608)	98.6	1	0	0	1	
OTU-0189		R. metallidurans ChimEc512 ^T (JX678769)	99.7	1	0	0	1	
OTU-0190		$R. \ alvei \ TNR-22^T \ (HE649224)$	98.2	1	0	0	1	
OTU-0191	Leuconostoc	L. pseudomesenteroides NRIC 1777 ^T (AB023237)	99.9	1	0	0	1	
OTU-0192	Burkholderia	B. insecticola RPE64 (AB558208)	98.5	1	1	0	0	
OTU-0193		C. jiangsuensis MP-1 [™] (KJ400396)	98.8	1	0	1	0	
OTU-0194		<i>C. udeis</i> $Hg2^{T}$ (AY154367)	98.8	1	0	0	1	
OTU-0195	C-h-//i-	<i>C. humi</i> RA1-5 ^T (AY949193)	98.5	1	0	0	1	
OTU-0196	Caballeronia	C. pedi LMG 29323 ^T (LT158621)	99.1 - 100	2	0	0	2	
OTU-0197		C. jiangsuensis MP- 1^{T} (KJ400396)	98.6	2	0	0	2	
OTU-0198		<i>C. humi</i> RA1-5 ^T (AY949193)	99.6	1	0	0	1	
OTU-0199	Aquincola	A. tertiaricarbonis L10 [™] (DQ656489)	96.4	1	0	0	1	
OTU-0200	Ideonella	<i>I. sakaiensis</i> 201-F6 ^T (LC002525)	97.3	1	0	0	1	
OTU-0201	Chitinophaga	C. pinensis NBRC 15968 ^T (01596801)	97.1	1	0	0	1	
OTU-0202	Cniva	S. aerophilum $5516J-17^{T}$ (KR024033)	96.9	1	0	0	1	
OTU-0203	Spirosoma	S. panaciterrae Gsoil 1519 ^T (EU370956)	92.7	1	0	0	1	
OTU-0204	Xanthomonas	X. nasturtii WHRI 8853 ^T (KX518637)	98.3	1	0	0	1	
OTU-0205	Pseudomonas	P. abietaniphila ATCC 700689 ^T (AJ011504)	98.9	1	0	0	1	
OTU-0206	rseudomonas	P. rhizosphaerae IH5 [™] (AY152673)	99.1	2	0	0	2	
OTU-0207	Mucilaginibacter	<i>M. carri</i> PR0008K ^T (JX089330)	97.1	1	0	0	1	

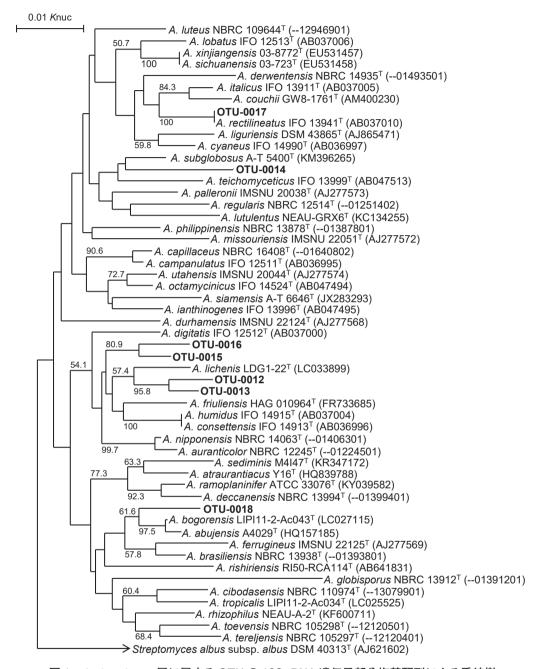


図 1 Actinoplanes 属に属する OTU の 16S rRNA 遺伝子部分塩基配列による系統樹

括弧内は配列のAccession番号. 「--」で始まる番号の配列はNBRC, それ以外はDDBJ より入手した. ブートストラップ値は50%以上のものを枝に付した.

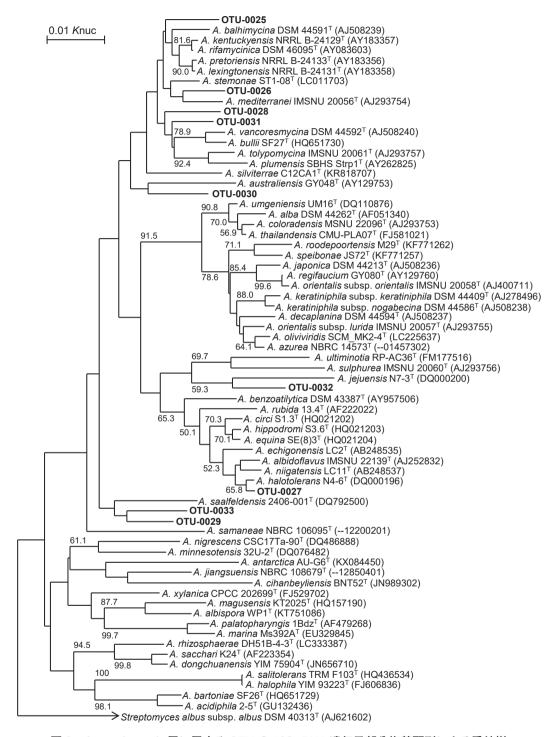


図 2 Amycolatopsis 属に属する OTU の 16S rRNA 遺伝子部分塩基配列による系統樹

括弧内は配列の Accession 番号.[--]で始まる番号の配列は NBRC, それ以外は DDBJ より入手した. ブートストラップ値は 50%以上のものを枝に付した. 近縁の OTU が存在しない一部の種は省略した.

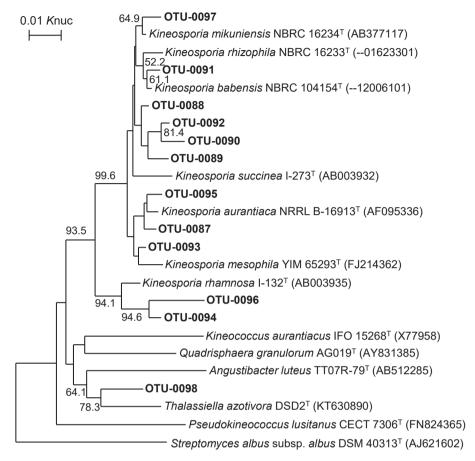


図3 *Kineosporiaceae* 科に属する OTU の 16S rRNA 遺伝子部分塩基配列による系統樹 括弧内は配列の Accession 番号. [--]で始まる番号の配列は NBRC, それ以外は DDBJ より入手した. ブートストラップ値は 50%以上のものを枝に付した.

考 察

落葉は土壌と近接した環境であるが、今回の調査は生息する放線菌には両者に違いがあることを示唆している。運動性放線菌は土壌からも見出されるが、今回分離された138の放線菌に属するOUTのうち24.6%にあたる34が運動性放線菌であり、これは奥多摩やマレーシアにおける土壌放線菌の調査(Muramatsu et al., 2003)のデータから算出されるそれぞれ10.6%、13.0%と比べて高率であると言える。また、土壌からは一定頻度で検出される Streptosporangiaceae 科が全く検出されなかった。Micromonosporaceae 科内では土壌から比較的高頻度で分離される Micromonospora 属が分離されず、その代わりに Actinoplanes 属が比較的多く分離された。これらはベトナムの土壌と落葉から分離された放線菌についての報告(Hop et al., 2011)とも傾向は一致しており、一般的な傾向である可能性が高い。さらに新種候補が多いことも特徴で、これは落葉由来の放線菌研究が比較的少ないことを反映していると考えられる。今回は、大都市内に遺存された自然林的環境である自然教育園での調査であったが、非常に多様な放線菌を検出することができた。分離株数が1株のOTUも多く、全体で126、放線菌のみで80ものOTUが該当し、さらなる調査によってOTU数は増加することが期待される。このように落葉の放線菌は多様で新規性が高く、医薬品探索などの応用研究に有用であることが示唆された。また、今回の調査報告が放線菌の分布や生態的な研究にも役立つことも期待したい。

謝辞

今回の研究に関して、自然教育園へのご紹介の労を取っていただいた国立科学博物館の細矢剛博士、 落葉採集の許可及び便宜を図っていただいた遠藤拓洋氏をはじめとする自然教育園の皆様に深く感謝 いたします。また、分離を担当した吉田珠実氏、塩基配列決定を担当した安藤里奈氏に深く感謝いた します。

引 用 文 献

- Burg R. W., Miller B. M., Baker E. E., Birnbaum J., Currie S. A., Hartman R., Kong Y-L., Monaghan R. L., Olson G., Putter I., *et al.* 1979. Avermectins, new family of potent anthelmintic agents: producing organism and fermentation. Antimicrob. Agents Chemother. 15: 361–367.
- Endo, A., Kuroda M., Tsujita Y. 1976. ML-236A, ML-236B, and ML-236C, new inhibitors of cholesterogenesis produced by *Penicillium citrinium*. J. Antibiot. (Tokyo) 29: 1346–1348.
- Fenical, W. & Jensen, P. R. 2006. Developing a new resource for drug discovery: marine actinomycete bacteria. Nat. Chem. Biol. 2:666-673.
- Fleming, A. 1929. On the antibacterial action of cultures of a *Penicillium*, with special reference to their use in the isolation of *B. influenzæ* Br. Exp. Pathol., 10: 226–136.
- Hayakawa, M. & Nonomura, H. 1987. Humic acid-vitamin agar, a new medium for selective isolation of soil actinomycetes. J. Ferment. Bioeng. 65: 501-509.
- Hop, D. V., Sakiyama, Y., Binh, C. T. T., Otoguro, M., Hang, D. T., Miyadoh, S., Luong, D. T., Ando, K. 2011. Taxonomic and ecological studies of actinomycetes from Vietnam: isolation and genus-

- level diversity. J. Antibiot. (Tokyo). 64:599-606.
- Kino, T., Hatanaka, H., Hashimoto, M., Nishiyama, M., Goto, T., Okuhara, M., Kohsaka, M., Aoki, H., Imanaka, H. 1987. FK-506, a novel immunosuppressant isolated from a *Streptomyces*. I. Fermentation, isolation, and physico-chemical and biological characteristics. J. Antibiot. (Tokyo). 40: 1249–1255.
- Larkin, M. A., Blackshields, G., Brown, N. P., Chenna, R., McGettigan, P. A., McWilliam, H., Valentin, F., Wallace, I. M., Wilm, A., Lopez, R., Thompson, J. D., Gibson, T. J., Higgins, D. G. 2007. Clustal W and Clustal X version 2.0. Bioinformatics. 23: 2947–2948.
- Li, J. W.-H. & Vederas, J. C. 2009. Drug discovery and natural products: end of an era or an endless frontier? Science. 325: 161–165.
- Milshteyn, A., Schneider, J. S., Brady, S. F. 2014. Mining the metabiome: identifying novel natural products from microbial communities. Chem. Biol. 21: 1211–1223.
- Muramatsu, H., Shahab, N., Tsurumi, Y., Hino, M. 2003. A comparative study of Malaysian and Japanese actinomycetes using simple identification method based on partial 16S rDNA sequence. Actinomycetologica. 17: 33-43.
- Newton, G. G. F. & Abraham, E. P. 1955. Cephalosporin C, a new antibiotic containing sulphur and D-a-aminoadipic acid. Nature 175: 548.
- Schatz, A., Bugie, E., Waksman, S. A. 1944. Streptomycin, a substance exhibiting antibiotic activity against Gram-positive and Gram-negative bacteria. Proc. Soc. Exp. Biol. Med. 55: 66-69.
- Stackebrandt, E. & Ebers, J. 2006. Taxonomic parameters revisited: tarnished gold standards. Microbiol. Today. 33: 152-155.
- Umezawa, H., Ueda, M., Maeda, K., Yagishita, K., Kondo, S., Okami, Y., Utahara, R., Osato, Y., *et al.* 1957. Production and isolation of a new antibiotic, kanamycin. J. Antibiot. (Tokyo) 10: 181–188.
- Umezawa, H., Hamada, M., Suhara, Y., Hashimoto, T., Ikekawa, T. 1965. Kasugamycin, a new antibiotic. Antimicrob. Agents Chemother., 5:753-757.
- Umezawa, H., Maeda, K., Takeuchi, T., Okami, Y. 1966. New antibiotics, bleomycin A and B. J. Antibiot. (Tokyo) 19: 200-209.